

مقدمه

جنین شناسی؛ مناسبت بالینی و چشم انداز تاریخی

- ۱..... مناسبت بالینی.....
- ۱..... شرحی مختصر بر تاریخچه جنین شناسی.....

قسمت اول : جنین شناسی عمومی

فصل اول

- ۷..... مقدمه ای بر تنظیم مولکولی و روند پیام رسانی.....
- ۷..... مقدمه.....
- ۷..... نسخه برداری از ژن.....
- ۹..... سایر تنظیم کننده های بروز ژن.....
- ۱۰..... روند القا و تشکیل اعضا.....
- ۱۰..... پیام رسانی سلولی.....
- ۱۳..... مسیرهای پیام رسانی اصلی برای تکامل.....

فصل دوم

- ۱۹..... گامتوزنز: تبدیل سلولهای زایا به گامتهای مذکر و مؤنث.....
- ۲۰..... سلولهای زایای ابتدایی (پریموردیال).....
- ۱۰..... تنوری کروموزومی وراثت.....
- ۲۳..... تغییرات مورفولوژیک در طی بلوغ گامتها.....

فصل سوم

- ۴۳..... اولین هفته تکامل : تخمک گذاری تا لانه گزینی.....
- ۴۳..... چرخه تخمدانی.....
- ۴۷..... لقاح.....
- ۵۲..... کلیواژ.....
- ۵۲..... تشکیل بلاستوسیست.....
- ۵۴..... تشکیل اپی بلاست و هیپوبلاست و تشکیل محور.....
- ۵۶..... رحم در هنگام لانه گزینی.....

فصل چهارم

- ۶۱..... دومین هفته تکامل : دیسک زایای دولایه ای.....
- ۶۱..... مقدمه.....

- ۶۱..... روز هشتم.....
- ۶۳..... روز نهم.....
- ۶۳..... روزهای یازدهم و دوازدهم.....
- ۶۵..... روز سیزدهم.....
- ۶۱..... مقدمه.....
- ۶۱..... روز هشتم.....
- ۶۳..... روز نهم.....
- ۶۳..... روزهای یازدهم و دوازدهم.....
- ۶۵..... روز سیزدهم.....

فصل پنجم

- ۷۱..... سومین هفته تکامل : دیسک زایای سه لایه ای.....
- ۷۱..... گاسترولاسیون : تشکیل مزودرم و اندودرم رویانی.....
- ۷۱..... تشکیل نوتوکورد.....
- ۷۳..... تمییز محورهاى بدن.....
- ۸۰..... رسد دیسک رویانی.....
- ۸۱..... تدارک تکامل تروفوبلاست.....

فصل ششم

- ۸۷..... هفته سوم تا هشتم : دوره رویانی.....
- ۸۷..... مقدمه.....
- ۸۷..... مشتقات لایه زایای اکتودرمی.....
- ۹۳..... مشتقات لایه زایای مزودرمی.....
- ۱۰۲..... مشتقات لایه زایای اندودرمی.....
- ۱۰۶..... تعیین الگوی محور قدامی - خلفی.....
- ۱۰۶..... ظاهر خارجی رویان در طی ماه دوم.....

فصل هفتم

- ۱۱۳..... لوله گوارش اولیه و حفره های بدن.....
- ۱۱۳..... لوله ای در بالای لوله دیگر.....
- ۱۱۳..... تشکیل حفره بدن.....
- ۱۱۴..... غشاهای سروزی.....
- ۱۱۸..... دیافراگم و حفره قفسه سینه (توراکس).....
- ۱۱۹..... تشکیل دیافراگم.....

فصل دوازدهم

اندامها.....

رشد و تکامل اندامها.....

ساختار عضلانی اندام.....

فصل سیزدهم

دستگاه قلبی. عروقی.....

تثبیت و تعیین الگوی حوزه قلبی اولیه.....

نحوه تشکیل و وضعیت لوله قلبی.....

تشکیل قوس قلبی.....

تنظیم مولکولی تکامل قلب.....

گردش خون و تکامل قلب.....

تکامل سینوس بریدی.....

تشکیل تیرازه های قلبی.....

تشکلات سیستم هدایتی قلب.....

تکامل عروقی.....

گردش خون در دوران قبل و بعد از تولد.....

فصل چهاردهم

دستگاه تنفس.....

تشکیل جوانه های ریه.....

حنجره.....

نای (تراشه)، برونشها و ریه ها.....

بلوغ ریه ها.....

فصل پانزدهم

دستگاه گوارش.....

تقسیمات لوله گوارش.....

تنظیم مولکولی تکامل لوله گوارش.....

مزانتراها (روده بندها).....

پیشین روده.....

تنظیم مولکولی القای کبد.....

لوزالمعده (پانکراس).....

میان روده.....

پسین روده.....

فصل شانزدهم

دستگاه ادراری. تناسلی.....

مقدمه.....

دستگاه ادراری.....

دستگاه تناسلی.....

فصل هشتم

از ماه سوم تا هنگام تولد: جنین و جفت..... ۱۲۵

تکامل جنین..... ۱۲۵

پرده های جنینی و جفت..... ۱۲۰

کوربیون فروندوزوم (پرزی) و دسیدوای قاعده ای..... ۱۳۱

ساختار جفت..... ۱۳۲

آمنیون و بند ناف..... ۱۲۸

تغییرات جفت در پایان حاملگی..... ۱۴۰

مایع آمنیون..... ۱۴۰

پرده های جنینی در دوقلوها..... ۱۴۰

وضع حمل (زایمان)..... ۱۴۱

فصل نهم

ناهنجاریهای مادرزادی و تشخیص قبل از تولد..... ۱۴۷

ناهنجاریهای مادرزادی و تشخیص قبل از تولد..... ۱۴۷

تشخیص قبل از تولد (پره ناتال)..... ۱۵۸

درمان جنین..... ۱۶۲

قسمت دوم: جنین شناسی اختصاصی

فصل دهم

اسکلت محوری..... ۱۶۹

مقدمه..... ۱۶۹

جمعیه..... ۱۶۹

مهره ها و ستون فقرات..... ۱۸۰

دنده ها و استرنوم (جناغ سینه)..... ۱۸۲

فصل یازدهم

دستگاه عضلانی..... ۱۸۵

مقدمه..... ۱۸۵

عضلات اسکلتی مخطط..... ۱۸۵

عصب گیری عضلات اسکلتی محوری..... ۱۸۷

عضلات اسکلتی و تاندونها..... ۱۸۸

تنظیم مولکولی تکامل عضلانی..... ۱۸۸

تعیین الگوی عضلات..... ۱۸۹

ساختار عضلانی سر..... ۱۸۹

ساختار عضلانی اندام..... ۱۸۹

عضله قلب..... ۱۸۹

عضله صاف..... ۱۹۰

تنظیم مولکولی تکامل چشم..... ۴۱۱

فصل بیست و یکم

دستگاه پوششی..... ۴۱۷

پوست..... ۴۱۷

مو..... ۴۱۸

ناخنهای انگشتان دست و پا..... ۴۲۰

غدد عرق..... ۴۲۰

غدد پستانی (پستانها)..... ۴۲۰

قسمت سوم: ضمیمه

پاسخ به سؤالات..... ۴۲۵

واژه‌ها و اصطلاحات مهم..... ۴۲۶

فصل هفدهم

سر و گردن..... ۳۲۷

مقدمه..... ۳۲۷

قوسهای حلقی..... ۳۲۹

بن‌بستهای حلقی..... ۳۳۲

شکافهای حلقی..... ۳۳۴

تنظیم مولکولی تکامل صورت..... ۳۳۵

زبان..... ۳۴۰

غده تیروئید..... ۳۴۱

صورت..... ۳۴۳

قطعه اینترماگزیلری..... ۳۴۴

کام ثانویه..... ۳۴۴

حفرات بینی..... ۳۵۰

دندانها..... ۳۵۰

تنظیم مولکولی تکامل دندان..... ۳۵۲

فصل هجدهم

دستگاه عصبی مرکزی..... ۳۵۷

مقدمه..... ۳۵۷

طناب نخاعی..... ۳۵۹

مغز..... ۳۶۹

تنظیم مولکولی تکامل مغز..... ۳۸۰

اعصاب جمجمه‌ای..... ۳۸۶

دستگاه عصبی خودکار (اتونوم؛ خودمختار)..... ۳۸۶

فصل نوزدهم

گوش..... ۳۹۷

مقدمه..... ۳۹۷

گوش داخلی..... ۳۹۷

گوش میانی..... ۴۰۰

گوش خارجی..... ۴۰۲

شنوایی..... ۴۰۲

فصل بیستم

چشم..... ۴۰۷

جام بینایی و وزیکول عدسی..... ۴۰۷

شبکیه، عنبیه و جسم مرگانی..... ۴۰۹

عدسی..... ۴۰۹

مشیمیه، صلبیه و قرنیه..... ۴۰۹

زجاجیه..... ۴۱۱

عصب بینایی..... ۴۱۱

مقدمه‌ای بر تنظیم و پیام‌رسانی مولکولی

۱

■ مقدمه

بیولوژی مولکولی، افق‌های جدیدی را برای روش‌های جدید مطالعه جنین‌شناسی و افزایش آگاهی ما از جنبه‌های طبیعی و غیرطبیعی تکامل گشوده است. تعیین توالی ژنوم انسان همراه با ابداع روش‌هایی برای تحقیق در مورد نحوه تنظیم ژن‌ها در سطوح مختلف پیچیدگی، سبب شده است دانش جنین‌شناسی گام در مرحله‌ای فراتر بگذارد. بدین ترتیب، «داستان جنین‌شناسی» از سطح آناتومیک به سطح بیوشیمیایی و سپس به سطح مولکولی پیشرفت کرده است و هر فصل این داستان بر دانش ما افزوده است. ژنوم که حاوی تمام اطلاعات مورد نیاز برای تشکیل یک «فرد» است، روند تکامل رویانی را هدایت می‌کند. اطلاعات در DNA به صورت توالیهایی به نام ژن کدبندی می‌شوند و ژن‌ها نیز رمزگذاری پروتئین‌ها را انجام می‌دهند. پروتئین‌ها نیز بروز سایر ژن‌ها را تنظیم کرده، به عنوان مولکول‌های پیام‌رسان برای هماهنگ‌سازی روند تکامل عمل می‌کنند.

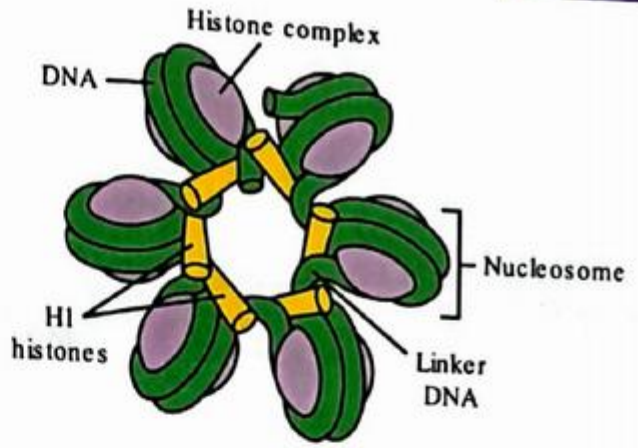
تقریباً ۲۳,۰۰۰ ژن در ژنوم انسان وجود دارند و این تعداد فقط یک پنجم تعدادی است (۱۰۰,۰۰۰ ژن) که قبل از تکمیل «پروژه ژنوم انسان» پیش‌بینی می‌شد. با وجود این، چون روند تنظیم در سطوح متنوعی اعمال می‌شود، تعداد پروتئین‌های حاصل از این ژن‌ها به رقم پیش‌بینی‌شده اولیه در مورد تعداد ژن‌ها نزدیکتر است. آنچه رد شده، فرضیه «یک ژن، یک پروتئین» است؛ یک ژن منفرد از طریق انواع مکانیسم‌ها می‌تواند تعداد زیادی پروتئین به وجود آورد.

بروز ژن، در چند سطح به شرح زیر تنظیم می‌شود: (۱) ممکن

است. این ژن‌های متفاوتی نسخه برداری شود؛ (۲) DNA یی که از یک نسخه برداری شده است، ممکن است به صورت انتخابی برداری شود و تعیین کند که کدام RNAها به سیتوپلاسم برسند و به RNAی پیامبر (mRNA) تبدیل شوند؛ (۳) mRNAها ممکن است به صورت انتخابی ترجمه شوند؛ و (۴) پروتئین‌های ساخته شده از mRNAها ممکن است با روش‌های متفاوتی تعدیل^۲ شوند.

■ نسخه برداری از ژن

ژن‌ها در مجموعه‌هایی متشکل از DNA و پروتئین‌ها (عمدتاً هیستون‌ها) به نام کروماتین^۲ قرار دارند که واحد پایه ساختمانی آن نوکلئوزوم^۲ نامیده می‌شود (شکل ۱-۱). هر نوکلئوزوم، از اکتامری از پروتئین‌های هیستون و حدود ۱۴۰ جفت باز DNA تشکیل می‌شود. خود نوکلئوزوم‌ها نیز در اثر متصل شدن DNA موجود در بین نوکلئوزوم‌ها (DNAی اتصال) به نوع دیگری از پروتئین‌های هیستون (هیستون‌های IH)، به صورت دسته‌هایی (خوشه‌هایی) به هم ملحق می‌شوند (شکل ۱-۱). نوکلئوزوم‌ها DNA را به صورت کاملاً پیچ خورده نگه می‌دارند و در این حالت امکان نسخه برداری از DNA وجود ندارد. کروماتین در این وضعیت غیرفعال، به صورت دانه‌های نوکلئوزوم در روی رشته‌ای از DNA پدیدار می‌گردد و به آن هتروکروماتین^۲ گفته می‌شود. برای اینکه نسخه برداری امکان پذیر شود، این DNA باید از حالت پیچ خورده و از این شکل «دانه‌ای» خارج شود. کروماتین در این وضعیت که از حالت پیچ خورده خارج شده است، یوکروماتین^۲ نامیده می‌شود.



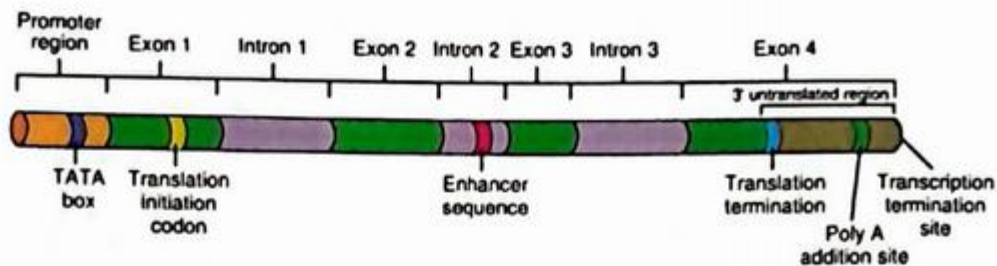
شکل ۱-۱: تصویر نوکلئوزومها که واحد پایه کروماتین را تشکیل می دهند. هر نوکلئوزوم از اکتامری از پروتئینهای هستون و تقریباً ۱۴۰ جفت باز DNA تشکیل می شود. DNA متصل کننده (اتصال) و سایر پروتئینهای هستون، نوکلئوزومها را به صورت خوشه هایی به هم متصل می کنند.

ژنها در داخل رشته DNA قرار دارند و حاوی مناطقی به نام **اگزون** و **اینترون** هستند؛ اگزونها مناطقی هستند که به پروتئینها ترجمه می شوند و اینترونها مناطقی هستند که در بین اگزونها قرار دارند و قابل ترجمه به پروتئینها نیستند (شکل ۱-۲). هر ژن بارز، علاوه بر اگزونها و اینترونها حاوی مناطق زیر نیز هست: یک ناحیه **پیش برنده** که برای شروع نسخه برداری به RNA پلیمراز مساعده می شود؛ یک محل آغاز نسخه برداری؛ یک محل آغاز ترجمه برای تعیین اولین اسید آمینه در پروتئین؛ یک کدون پایان ترجمه؛ و یک منطقه ترجمه نشده ۳ که حاوی توالی خاصی به نام **محل اضافه شدن poly A** است؛ این توالی به تثبیت mRNA کمک می کند، سبب خروج آن از هسته می شود و ترجمه شدن آن را به پروتئین امکان پذیر می سازد (شکل ۱-۲). طبق قرارداد و قاعده مرسوم، مناطق ۵' و ۳' ژن در ارتباط با mRNA نسخه برداری شده از ژن مشخص می شوند. در نتیجه، DNA از انتهای ۵' به انتهای ۳' نسخه برداری می شود و ناحیه پیش برنده، در موقعیت فرادست (بالتر) نسبت به ناحیه آغاز نسخه برداری قرار دارد (شکل ۱-۲). ناحیه پیش برنده که RNA پلیمراز به آنجا متصل می شود، معمولاً حاوی توالی **TATA** است و این ناحیه، **TATA box** نامیده می شود (شکل ۱-۲). با وجود این، پلیمراز برای اتصال به این ناحیه، به پروتئینهای دیگری به نام **عوامل نسخه برداری** نیاز دارد (شکل ۱-۳). عوامل نسخه برداری نیز دارای یک حوزه متصل شونده به DNA به اضافه یک حوزه دارای فعالیت دوجانبه هستند که نسخه برداری از ژنهایی را که قسمت پیش برنده یا تقویت کننده آنها به این منطقه متصل می شود، فعال یا مهار می کند. عوامل نسخه برداری در همراهی با سایر پروتئینها، با روشهای زیر روند بروز ژنها را فعال می کنند: از طریق باز کردن پیچ خوردگی مجموعه

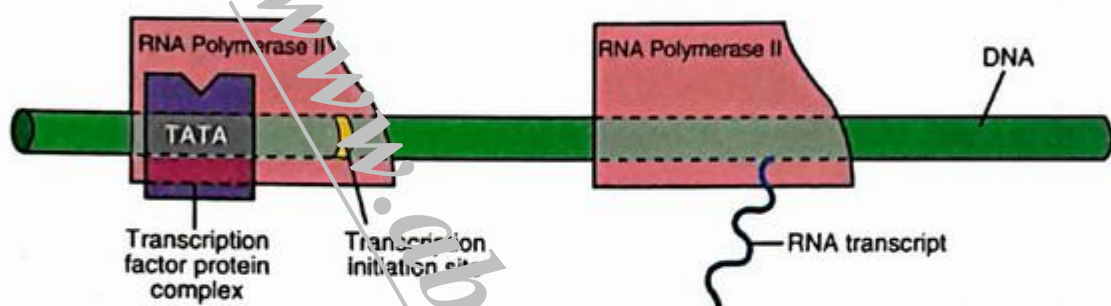
نوکلئوزومی DNA؛ از طریق آزادسازی پلیمراز و امکان پذیر ساختن نسخه برداری از قالب DNA توسط این آنزیم؛ و با جلوگیری از تشکیل نوکلئوزومهای جدید.

تقویت کننده ها، عناصر تنظیمی DNA هستند که پیش برنده را فعال و کارایی پیش برنده ها و سرعت نسخه برداری از آنها کنترل می کنند. تقویت کننده ها در هر محلی از طول رشته DNA یافت می شوند و نیازی نیست در مجاورت پیش برنده قرار داشته باشند. تقویت کننده ها نیز همانند پیش برنده ها به عوامل نسخه برداری متصل می شوند (از طریق حوزه فعال کننده دوجانبه عوامل نسخه برداری) و برای تنظیم سیر زمانی بروز ژن و میزان اختصاصی بروز ژنها در سلول، مورد استفاده قرار می گیرند. به عنوان مثال، ممکن است در مورد یک ژن خاص، در بافتهای متفاوت تقویت کننده ای جداگانه ای برای هدایت بروز همان ژن استفاده شود. عامل نسخه برداری **PAX6** که در تکامل لوزالمعده، چشم و لوله عصبی مشارکت می کند، حاوی سه تقویت کننده جداگانه است که هر کدام از آنها بروز ژن را در بافت مناسب تنظیم می کنند. تقویت کننده ها از طریق تغییر دادن کروماتین برای بیان یک پیش برنده و یا از طریق تسهیل اتصال RNA پلیمراز، اثر خود را اعمال می کنند. گاهی اوقات، تقویت کننده ها نسخه برداری را مهار می کنند و خاموش کننده نامیده می شوند. این پدیده، به عنوان نسخه برداری امکان می دهد از طریق اتصال به تقویت کننده ها متفاوت، یک ژن را فعال و در همان حال ژن دیگری را غیرفعال کند. بدین ترتیب، خود عوامل نسخه برداری دارای دو حوزه هستند؛ یک حوزه متصل شونده به DNA که برای بخشی از DNA جنبه اختصاصی دارد؛ و یک حوزه دارای فعالیت دوجانبه که یک پیش برنده یا تقویت کننده متصل می شود و ژن تنظیم شونده توسط این عناصر را فعال یا مهار می کند.

متیلاسیون DNA، نسخه برداری را سرکوب می کند
 متیلاسیون بازهای سیتوزین در نواحی پیش برنده ژنها نسخه برداری از آن ژنها را سرکوب می کند و در نتیجه، برخی از ژنها خاموش می شوند. به عنوان مثال، یکی از کروموزومهای X در سلول جنس مؤنث، از طریق همین مکانیسم متیلاسیون غیرفعال می شود (غیرفعال شدن کروموزوم X). همچنین، ژنهای موجود در انواع مختلف سلولها از طریق متیلاسیون سرکوب می شوند. در اثر آن، مثلاً سلولهای عضلانی پروتئینهای عضلانی را می سازند (DNA پیش برنده آنها عمدتاً حالت غیرمتیله دارد). اما قاتل ساخت پروتئینهای خونی نیستند (DNA پیش برنده آنها به این ژنها، بشدت متیله می شود). به این ترتیب، هر سلول قادر می شود وضعیت تمایز یافته اختصاصی خود را حفظ کند همچنین، متیلاسیون DNA مسؤول ابربریتینگ ژنومی است.



شکل ۱-۲: تصویری از يك ژن بارز که در آن بخشهای زیر دیده می‌شوند: ناحیه پیش‌برنده که حاوی TATA box است؛ آگزونها که توالبیهای DNA موجود در آنها به پروتئینها ترجمه می‌شوند؛ اینترونها؛ ناحیه شروع نسخه‌برداری؛ ناحیه شروع ترجمه که رمز اولین اسید آمینه پروتئین را مشخص می‌کند؛ و ناحیه ترجمه‌نشده^۳ که در آن ناحیه افزوده شدن Poly A وجود دارد؛ این ناحیه به تثبیت mRNA کمک می‌کند، خروج آن را از هسته امکان‌پذیر می‌سازد و امکان ترجمه آن را به پروتئین فراهم می‌کند.



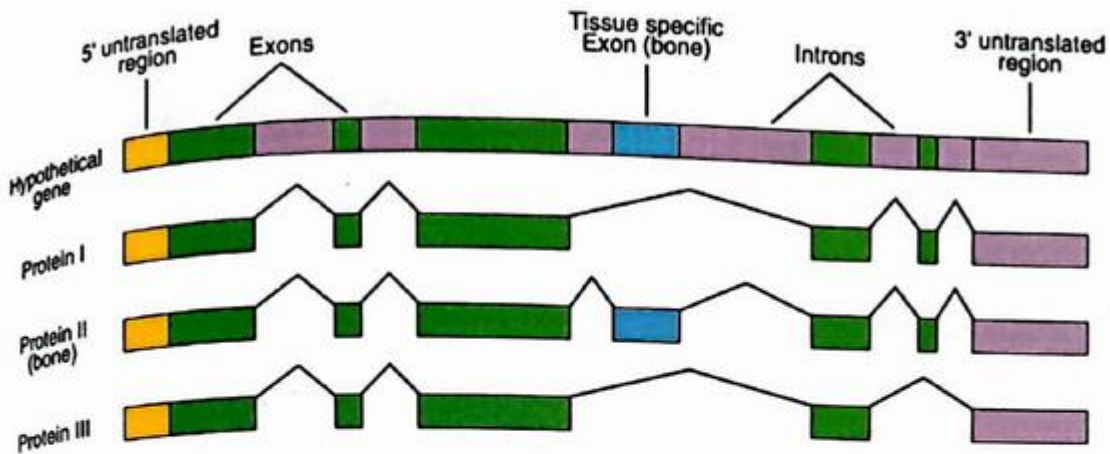
شکل ۱-۳: تصویری از اتصال RNA پلیمراز II به ناحیه TATA box از منطقه پیش‌برنده يك ژن. این اتصال مستلزم مجموعه‌ای از پروتئینها به اضافه پروتئین دیگری به نام عامل نسخه‌برداری است. عوامل نسخه‌برداری، از حوزه اختصاصی برای اتصال به DNA برخوردار هستند و در جهت تنظیم بروز ژن عمل می‌کنند.

(پیرایش) روشی را در اختیار سلولها قرار می‌دهد تا از يك ژن منفرد پروتئینهای مختلفی را تولید کنند. به عنوان مثال، با از میان برداشته شدن اینترونهای متفاوت، آگزونها با الگوهای مختلفی تحت پیرایش قرار می‌گیرند، که به این روند پیرایش متناوب^{۱۷} گفته می‌شود (شکل ۱-۴) (در splicing). ابتدا يك قسمت از DNA بریده می‌شود و سپس بخشهای باقیمانده دوباره به هم بافته می‌شوند (م). اسپلیسوزومها^{۱۸} این روند را انجام می‌دهند؛ اسپلیسوزوم، مجموعه‌ای از RNAهای هسته‌ای کوچک (snRNA) و پروتئینها است که نقاط پیرایش اختصاصی را در انتهای ۵' و ۳' nRNA شناسایی می‌کند. پروتئینهایی که از يك ژن مشتق می‌گردند، ایزوفورمهای پیرایش^{۱۹} (و همچنین واریانتهای پیرایش^{۲۰} با اشکال پیرایش متناوب^{۲۱}) نامیده می‌شوند و به سلولهای مختلف امکان می‌دهند با استفاده از يك ژن یکسان، پروتئینهای اختصاصی را برای آن نوع سلول بسازند. به عنوان مثال، ایزوفورمهای ژن WT1، در تکامل گنادها عملکرد متفاوتی با روند تکامل کلیه‌ها دارند.

که در آن، فقط ژنی که از پدر یا مادر به ارث می‌رسد بارز می‌شود و ژن دیگر حالت خاموش پیدا می‌کند. حدود ۶۰-۴۰ درصد ژنهای انسان حالت ایمپرینت شده دارند و الگوهای متیلاسیون آنها در جریان اسپرماتوژنز و اووژنز تثبیت می‌شوند. متیلاسیون، با مهار اتصال عوامل نسخه‌برداری و یا با تغییر دادن اتصال هیستون، سبب خاموشی DNA می‌شود؛ در اثر این پدیده، نوکلئوزومها حالت تثبیت شده پیدا می‌کنند و DNA بشدت پیچ خورده، قابل نسخه‌برداری نیست. عواملی که بروز ژن را بدون تغییر دادن توالی DNA تعدیل می‌کنند (مانند متیلاسیون و تعدیل هیستون)، تعدیل‌کننده‌های اپی‌ژنتیک^{۱۵} نامیده می‌شوند.

■ سایر تنظیم‌کننده‌های بروز ژن

رونوشت اولیه ژن، RNA هسته‌ای (nRNA) و گاهی اوقات RNA پیش‌پیامبر^{۲۲} نامیده می‌شود. طول nRNA بیشتر از طول mRNA است. چون nRNA حاوی اینترونهایی است که در روند حرکت آن از هسته به سیتوپلاسم، از میان برداشته می‌شوند (پیرایش می‌شوند). در واقع، این روند splicing



شکل ۱-۴: تصویری از یک ژن فرضی که در آن روند پیرایش متناوب برای تشکیل پروتئینهای مختلف از یک ژن نشان داده شده است. اسپلیسوزومها نواحی اختصاصی را در نسخه اولیه mRNA از یک ژن، شناسایی می کنند. بر اساس این مناطق، اینترونهای مختلف از میان برداشته می شوند (ویرایش می شوند) تا بیش از یک پروتئین از یک ژن منفرجه وجود آید. پروتئینهای مشتق از یک ژن منفرجه ایزوفورمهای پیرایش نامیده می شوند.

و در تریکسهای خارج سلولی به صورت پراکنده قرار می گیرند (شکل ۵-۱). نمونه های واکنشهای متقابل اپی تلیال، مزانشیمی به شرح زیر هستند: واکنش بین اندودرم دستگاه گوارش اولیه و مزانشیم پیرامون برای تشکیل اعضای مشتق از دستگاه گوارش اولیه از جمله کبد و لوزالمعده؛ واکنش بین مزانشیم اندودرم اکتودرم روی آن (اپی تلیوم) برای تشکیل برآمدگی اندام و ناز آن؛ و واکنش بین اندودرم جوانه حالب و مزانشیم بلاستولی متانفریک برای تشکیل نفرونها در کلیه. واکنشهای متقابل القایی ممکن است بین دو بافت اپی تلیال نیز رخ بدهند (مانند القای عدسی چشم توسط اپی تلیوم جام بینایی^{۲۱}). اگرچه پیام لولایی که از القاکننده به پاسخ دهنده ارسال می شود واقعه القایی^{۲۲} می کند، ارتباط دوسویه^{۲۳} (گفتگوی متقابل) بین دو بافت با نوع سلول، برای تداوم تمایز ضرورت دارد (شکل ۵-۱، یکپارچه).

■ پیام رسانی سلولی

پیام رسانی سلول به سلول، برای امکان پذیر شدن القای، برای کسی کارایی به منظور پاسخ به پیام و همچنین برای ارتباط دوسویه بین سلولهای القاکننده و پاسخ دهنده، جنبه اساسی دارد. این خطوط ارتباطی، از دو طریق برقرار می شوند: واکنشهای متقابل پاراکرین^{۲۴}، که در آنها پروتئینهای ساخته شده توسط یک سلول با طی مسافتی کوتاه، با سلولهای دیگر واکنش متقابل می کنند و واکنشهای متقابل جوکستاکرین^{۲۵}، که پروتئینهای قابل انتشار دخالتی در آنها ندارند. پروتئینهای قابل انتشار که مسیری پیام رسانی پاراکرین هستند، عوامل پاراکرین یا عوامل رشد تمایز^{۲۶} (GDFها) نامیده می شوند.

حتی پس از اینکه پروتئین ساخته شد (ترجمه شد)، ممکن است تعدیلهای بعد از ترجمه^{۲۷} رخ بدهند و بر عملکرد آن تأثیر بگذارند. به عنوان مثال، فعالیت برخی از پروتئینها مستلزم شکسته شدن و فعالیت برخی دیگر مستلزم فسفریله شدن آنهاست. تعدادی از پروتئینها نیز نیازمند ترکیب با سایر پروتئینها یا آزاد شدن از نوبی ذخیره ای هستند و یا اینکه باید در معرض مناطق خاصی از سلول قرار بگیرند. اگرچه فقط ۲۳,۰۰۰ ژن وجود دارد، سطوح تنظیمی متعددی برای حساس سازی و فعال کردن پروتئینها وجود دارند، به نحوی که تعداد بالقوه پروتئینهای قابل ساخت احتمالاً نزدیک به پنج برابر تعداد ژنهاست.

■ روند القا و تشکیل اعضا

واکنشهای متقابل بین سلولها و بافتها، سبب تشکیل اعضا می شوند. در اکثر موارد، یک گروه از سلولها یا بافتها سرنوشت گروه دیگری از سلولها یا بافتها را تغییر می دهد، که به این روند القا^{۲۸} گفته می شود. در هر یک از این واکنشهای متقابل، سلول یا بافتی که پیام^{۲۹} را ایجاد می کند القاکننده^{۳۰} و سلول یا بافتی که آن پیام را دریافت می کند پاسخ دهنده^{۳۱} نامیده می شود. توانایی پاسخ به این پیام را کارایی^{۳۲} می نامند و برای کسب کارایی، نوعی عامل کارایی^{۳۳} باید بافت پاسخ دهنده را فعال کند. تعداد زیادی واکنش متقابل القایی بین سلولهای اپی تلیومی و مزانشیمی رخ می دهند که واکنشهای متقابل اپی تلیال، مزانشیمی نامیده می شوند (شکل ۵-۱). سلولهای اپی تلیال به یکدیگر متصل می شوند و ساختمانهایی را به صورت لوله یا صفحه تشکیل می دهند، در حالی که سلولهای مزانشیمی ظاهر فیبروبلاستی دارند